

1	MVHVAYSLCLPMRRSERYLF	1691243
1	MGRALGLGLAL	GI 1216498
31	NENSWNEEEVWRIEMYSISFGIMSLGLSL	1691243
19	LLPTQIYCNQTSVA	GI 1216498
61	LAVTSIPSVSNALNWRFSFIQSTLGYVAL	1691243
38	QSISAA[PNPTNA]TTRSGC[SLQSTA]GLAL	GI 1216498
91	LISSTFHVLIYGWKRAFE	1691243
68	EEYYRFTPPNFV	GI 1216498
121	LALVLP[SI]VILDL[QL]	1691243
68	SL[SL]HL[YC]	GI 1216498

FIGURE 1

1	M	F	L	-	-	-	-	-	P	P	V	V	L	A	I	R	S	R	Y	V	L	-	-	-	-	-	E	1999442					
214	D	Q	L	W	P	L	R	W	I	A	P	E	L	V	D	E	V	H	G	N	L	L	V	D	Q	T	K	S	GI 2459993				
1	M	W	-	-	V	P	-	-	-	-	-	V	V	F	L	T	L	S	V	T	W	I	-	-	-	-	-	G	GI 130989				
18	A	A	V	Y	T	F	T	M	F	F	S	T	F	Y	H	A	C	D	Q	P	-	-	-	-	-	-	G	I	V	1999442			
244	S	N	V	W	S	L	G	V	T	I	W	E	L	F	F	E	L	G	A	Q	P	Y	P	Q	H	S	D	R	Q	V	L	GI 2459993	
17	A	A	P	L	I	L	-	S	R	I	V	G	W	-	E	C	E	K	H	S	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	GI 130989	
41	V	F	C	I	M	D	Y	D	V	-	L	Q	F	C	D	F	L	G	S	L	M	S	V	W	V	T	V	I	A	M	1999442		
274	A	Y	A	V	R	E	Q	Q	L	K	L	P	K	P	Q	L	Q	L	A	L	S	D	R	W	Y	E	V	M	Q	F	GI 2459993		
36	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	Q	P	W	Q	V	L	V	A	-	GI 130989	
70	A	R	L	Q	P	V	V	K	-	-	-	-	-	Q	V	L	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1999442	
304	C	W	L	Q	P	E	Q	R	P	T	A	E	E	V	H	L	L	S	Y	L	C	A	K	G	T	E	L	E	GI 2459993				
44	S	R	G	R	A	V	C	-	-	-	-	-	-	G	G	V	L	V	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	GI 130989
92	L	Q	L	D	R	H	G	L	W	N	L	L	G	P	S	-	L	F	A	L	G	I	L	A	T	A	W	T	V	R	1999442		
334	E	E	F	E	R	-	-	W	R	S	L	R	P	G	G	S	T	G	L	G	S	G	S	A	A	P	A	A	GI 2459993				
56	-	-	-	-	-	-	-	H	P	Q	W	V	L	T	A	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	GI 130989	

FIGURE 2A

121 SVRRRHCHYPPTWRRWLFLCPGSLIAGSAV 1999442
 353 TAASAEHTAASSFPLLERFTSDGFHVDSDD GI 2459993
 65 - - - - HCL - - - - I RNKSVILGRHSIL - - FHP E GI 130989

 151 LLYAFVETRDNYFYIHSHIWHMLLIAGSVGFL 1999442
 383 VL - TVTE TSHGLNFFEYK - WE - - AGCGAEE GI 2459993
 85 DTGQVFQVSHS - - FPHPLYDM SLLKNR - FL GI 130989

 181 LPPRAKTDHGVPSGARARGCYQLCINEQE 1999442
 418 YPPSGAAS - SPGSARLQ - - - - ELCLAPDSS GI 2459993
 112 RP - - - - - - - - - - GDDSSHDLMLRLS GI 130989

 211 EGPGRGPRRGHCQ - - - - QHLCQLRGALGLA 1999442
 443 PPGVVPVLSAHSPSVGSEYFIRLEGAVPAA GI 2459993
 128 EP - - - - - - - - - - AELTDVAVKMDL - - PTQEP GI 130989

 237 LRGYECFLEFFLGVWSPLRRRQAVFLEDM E 1999442
 473 GHDPDC A - - - - - - - - - - GCAPSPQAVTDQDNN GI 2459993
 147 ALGTTCTCY - - - - - ASGWGSIEPEE - - - FL - - TP GI 130989

FIGURE 2B

267 S F S R T Q N S S R D L E P F P G H G E L P E G L E S P C I 1999442
 495 S - E E S T V A S L A M E P L L G H A P P T E G L W G P C D GI 130989
 169 K K L Q - - - C V D L H V I - - - - - S N D V GI 2459993

 297 M E S F L R T G A Y A G T E S L R T K E S L L Q V W S L S W 1999442
 524 H H S H R R Q G S P C P S R S P S P G T P M L P A E D I D W GI 130989
 184 C A Q V H P Q K V T K F M L C - - - A G R W T G G K S - - - GI 2459993

 327 D A E P - - - - - S Q D M D S F P G R Q S P V R S 1999442
 554 G V A T F C P P F D D P L G A S P S G S P G A Q P S P S D GI 130989
 208 - - - - - T C S G D - - S G G P L V C N G V L GI 2459993

 347 T A S F Q R R W S L S W G N Q I S R F S Q R L S N S G L R L 1999442
 584 E E P E E G K V G L - - A A Q C G H W S S N M S A N N N S A GI 130989
 224 Q G - - - - - I T S W G S E P C A L P E R - - - GI 2459993

 377 P S Q R Q R L G C A V L - - - - - W R R D C R - M D G A G 1999442
 612 S R D P E S W D P G Y V S S F T D S Y R D C S S L E Q T P GI 130989
 240 P S L Y - T K V V H Y R K W I K D T I V A N P GI 2459993

 400 T G A V W V A G I L V 1999442
 642 R A S P E V G H L L S Q E GI 130989
 261 GI 2459993

FIGURE 2C